

Fiche Python : Régression linéaire et méthode de Monte Carlo

I/ Régression linéaire

Polyfit est une fonction de la bibliothèque *numpy* qui permet, comme son nom l'indique, d'obtenir les paramètres de **modélisations polynomiales**.

Utilisation de la fonction

On commence par importer la bibliothèque *numpy*.

```
1 import numpy as np
```

On suppose qu'on dispose de deux listes :

- les données en abscisses : **X** ;
- les données en ordonnées : **Y**.

On utilise *polyfit* comme indiqué ci-dessous si on souhaite une modélisation de degré 2 du type $Y = a \cdot X^2 + b \cdot X + c$.

```
1 coefficients = np.polyfit(X, Y, 2)
```

coefficients est une liste telle que dans notre exemple :

- *coefficients*[0] est le paramètre **a** ;
- *coefficients*[1] est le paramètre **b** ;
- *coefficients*[2] est le paramètre **c** ;

Remarque : le nombre indiqué dans l'appel de *polyfit*, après les listes *X* et *Y*, correspond à l'ordre du polynôme modélisant la loi.

Dans le cas d'une loi affine, la modélisation polynomiale est d'ordre 1 :

np.polyfit(*X*, *Y*, 1) renvoie une liste avec les deux paramètres (pente et ordonnée à l'origine) pour le modèle affine entre *X* et *Y*.

Exemples d'utilisation de la fonction dans le cas d'une régression linéaire

- *coefficient* = *np.polyfit*(*X*,*Y*,1) : *coefficient* est une liste contenant deux éléments
 - ✓ *Coefficient*[0] correspond à la pente
 - ✓ *Coefficient*[1] correspond à l'ordonnée à l'origine
- *a*, *b* = *np.polyfit*(*X*,*Y*,1) : *a* correspond à la pente et *b* à l'ordonnée à l'origine

II/ Méthode de Monte Carlo

Les grandeurs mesurées servent souvent à calculer d'autres grandeurs.

Les grandeurs calculées à partir de grandeurs mesurées entachées d'incertitude sont également entachées d'incertitude : il y a **propagation des incertitudes**.

On note *X*₁ et *X*₂ deux grandeurs mesurées et *Y* une grandeur calculée à partir de *X*₁ et *X*₂ :

$$Y = f(X_1, X_2)$$

L'**objectif** de la méthode de Monte Carlo est de déterminer l'incertitude-type de la grandeur calculée *Y* connaissant les incertitudes-type des grandeurs mesurées *X*₁ et *X*₂.

Notons *u*(*X*₁) et *u*(*X*₂) les incertitudes type associées aux grandeurs mesurées *X*₁ et *X*₂.

Le **principe** de la méthode de Monte Carlo est de calculer un grand nombre de valeurs de Y à partir de valeurs de X_1 et X_2 tirées aléatoirement dans l'intervalle $[X_i - \sqrt{3} u(X_i); X_i + \sqrt{3} u(X_i)]$ ($i = 1$ ou 2)

On a recours pour ce faire, à une simulation numérique à l'aide du langage Python. On définit un nombre N de tirages aléatoires. On écrit alors une boucle dans laquelle pour chaque tirage :

- On tire aléatoirement une valeur de X_1 dans l'intervalle $[X_1 - \sqrt{3} u(X_1); X_1 + \sqrt{3} u(X_1)]$
- On tire aléatoirement une valeur de X_2 dans l'intervalle $[X_2 - \sqrt{3} u(X_2); X_2 + \sqrt{3} u(X_2)]$
- On calcule la valeur Y_MC correspondant à ce tirage : $Y_MC = f(X_1, X_2)$
- On ajoute cette valeur Y_MC à un tableau qui contient les valeurs de Y_MC précédemment calculées par la même méthode.

En sortie de la boucle, on dispose donc d'un tableau, notée Y_MC, contenant N valeurs simulées de la grandeur Y.

Le résultat pour la valeur de Y sera la moyenne des valeurs du tableau Y_MC.

L'incertitude type pour Y sera l'écart type des valeurs du tableau Y_MC

Voici les outils dont on a besoin :

Modules :

- numpy as np : pour l'écriture des données sous forme de tableaux
- numpy.random : pour les tirages aléatoires

Fonctions du module numpy :

- np.average(A_MC) : renvoie la moyenne des valeurs du tableau A_MC
- np.std(A_MC, ddof = 1) : renvoie l'écart-type des valeurs du tableau A_MC

Fonction du module numpy.random :

- np.random.uniform(-1, 1, n) : renvoie un tableau de n valeurs tirées aléatoirement selon une loi uniforme entre -1 et 1.