

# TIPE: Le diagnostic de tumeurs mammaires par SVM

Simon LEGRIS

Épreuve de TIPE

Session 2022

# Plan de l'exposé

- 1 Introduction
- 2 Implantation du classifieur
- 3 Application au diagnostic de tumeurs
- 4 Conclusion
- 5 Annexe

# Introduction

## Problème

- On cherche à aider au diagnostic de tumeurs du sein, c'est à dire déterminer numériquement la présence d'une tumeur ou non et sa dangerosité.
- Pour cela, il faut un système capable de classifier les mammographies.
- Il existe une méthode particulièrement adaptée : celle des SVM.

# Introduction

## Problème

- On cherche à aider au diagnostic de tumeurs du sein, c'est à dire déterminer numériquement la présence d'une tumeur ou non et sa dangerosité.
- Pour cela, il faut un système capable de classifier les mammographies.
- Il existe une méthode particulièrement adaptée : celle des SVM.

# Introduction

## Problème

- On cherche à aider au diagnostic de tumeurs du sein, c'est à dire déterminer numériquement la présence d'une tumeur ou non et sa dangerosité.
- Pour cela, il faut un système capable de classifier les mammographies.
- Il existe une méthode particulièrement adaptée : celle des SVM.

# Introduction

## Présentation des SVM

- SVM : Support Vectors Machine ou Séparateur à Vaste Marge.
- Ensemble de techniques d'apprentissage supervisé pour résoudre des problèmes de discrimination. Les SVM sont très utilisés dans la classification d'images.
- Développés à partir des années 1990.
- Utilisés dans le diagnostic médical à partir de la toute fin du vingtième siècle.

# Introduction

## Principe de fonctionnement

- On se donne un ensemble composé de 2 types de points, des croix et des ronds par exemple. On dit que ces points sont séparables linéairement s'il existe une droite telle que les ronds et les croix soient de part et d'autre de la droite.

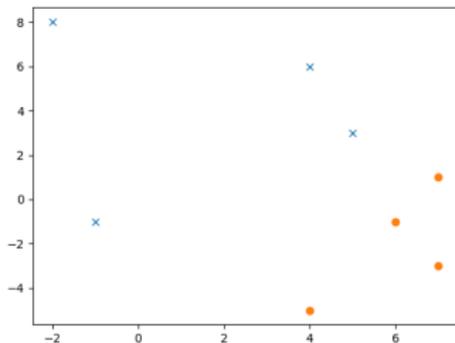


Figure – exemple d'ensemble de points séparables linéairement

# Introduction

## Principe de fonctionnement

- Il existe cependant une infinité de droites pouvant séparer les données. Laquelle choisir pour classifier au mieux les futures données ?

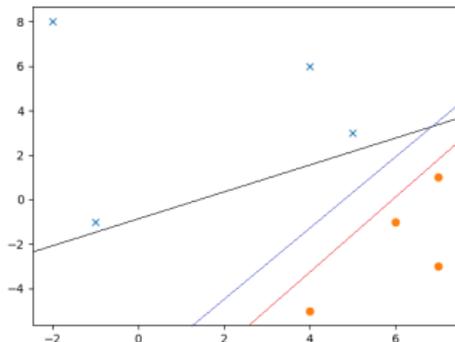


Figure – Exemples de droites séparant linéairement les données

# Introduction

## Principe de fonctionnement

- Le rôle du SVM est de trouver la "meilleure" de ces droites, c'est à dire celle qui maximise la distance des vecteurs les plus proches de la droite à celle-ci.
- On appelle cette distance la **marge**.
- On appelle ces vecteurs les **vecteurs supports**.

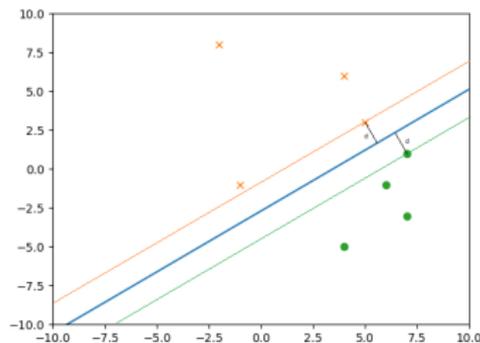


Figure – droite séparatrice maximisant la marge  $d$

# Implantation

## Trouver les vecteurs supports

- On cherche  $x_1, x_2$  tq  $\|x_1 x_2\| = \min\{\|cr\|, (c, r) \in Croix \times Rond\}$
- Il suffit de calculer toutes les longueurs et de trouver le minimum. Algorithmiquement cette opération a un coût en  $O(n^2)$  qui peut être optimisé.

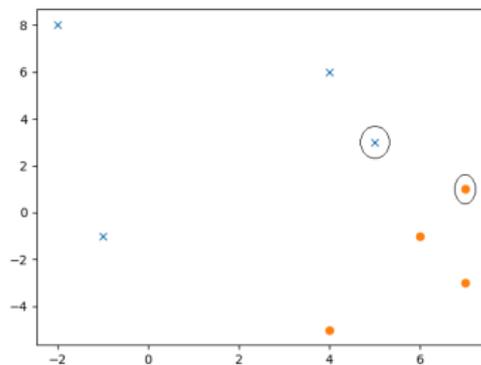


Figure – Vecteurs supports

# Implantation

Trouver la droite, formalisme mathématique

- Soit  $\vec{w}$  un vecteur orthogonal à la droite séparatrice.
- L'équation de la droite est de la forme :

$$\vec{X} \cdot \vec{w} + b = 0$$

- On appelle  $b$  le **biais**.

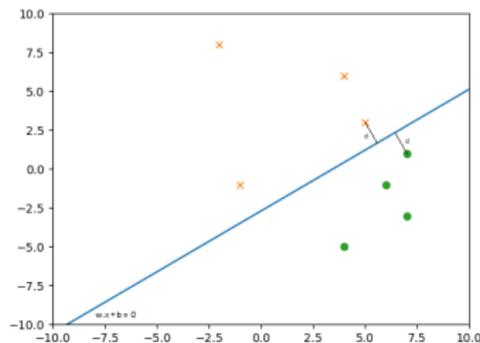


Figure – La droite d'équation  $\vec{X} \cdot \vec{w} + b = 0$

# Implantation

Trouver la droite, formalisme mathématique

- Soit  $\vec{X}$  un vecteur du plan. Si  $X$  est du côté gauche de la droite,  $\vec{X} \cdot \vec{w} \leq -b$ . Si  $X$  est du côté droit,  $\vec{X} \cdot \vec{w} \geq -b$
- On pose :

$$y = \begin{cases} +1 & \text{si } \vec{X} \cdot \vec{w} + b \geq 0 \\ -1 & \text{si } \vec{X} \cdot \vec{w} + b < 0 \end{cases}$$

# Implantation

## Formalisme mathématique

- On pose arbitrairement  $\vec{X} \cdot \vec{w} + b = -1$  et  $\vec{X} \cdot \vec{w} + b = 1$  les équations respectives des droites D1 et D2.
- On a donc  $\vec{X} \cdot \vec{w} + b \geq 1$  et  $\vec{X} \cdot \vec{w} + b \leq -1$  respectivement pour les ronds et les croix.

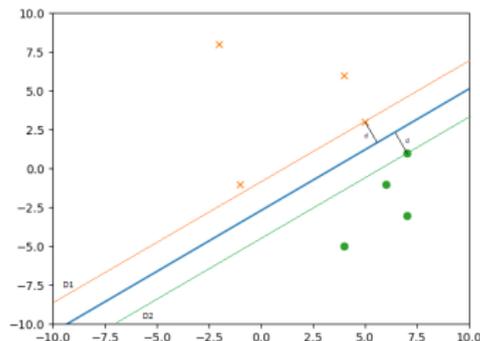


Figure – Les droites passant par les vecteurs supports

# Implantation

## Formalisme mathématique

- On a donc pour  $n$  points sur le plan :

$$\forall i \in \llbracket 1, n \rrbracket, y_i(\vec{X}_i \cdot \vec{w} + b) \geq 1$$

- Comme  $d = \frac{1}{\|\vec{w}\|}$ , on doit résoudre le problème d'optimisation suivant :

$$\max_{(w,b)} \frac{1}{\|\vec{w}\|} \quad tq \quad \forall i \in \llbracket 1, n \rrbracket, y_i(\vec{X}_i \cdot \vec{w} + b) \geq 1$$

- Ce qui revient à résoudre :

$$\min_{(w,b)} \frac{1}{2} \|\vec{w}\|^2 \quad tq \quad \forall i \in \llbracket 1, n \rrbracket, y_i(\vec{X}_i \cdot \vec{w} + b) \geq 1$$

# Implantation

## Résolution du problème d'optimisation

- On appelle problème primal un problème de la forme :

$$\min_{(w,b)} \max_{\alpha} L(w, b, \alpha)$$

- On appelle problème dual un problème de la forme :

$$\max_{\alpha} \min_{(w,b)} L(w, b, \alpha)$$

- Dans ce paragraphe, on suppose admis les résultats concernant les multiplicateurs de Lagrange, les conditions de Karush-Kuhn-Tucker (KKT) et les conditions d'égalité pour les problèmes primaux et duaux.

# Implantation

## Résolution du problème d'optimisation

- On pose :

$$\forall i \in \llbracket 1, n \rrbracket, g_i(w) = -y_i(\vec{X}_i \cdot \vec{w} + b) + 1$$

- On note :

$$\alpha = (\alpha_1, \dots, \alpha_n)$$

- On a donc l'expression du lagrangien :

$$L(w, b, \alpha) = \frac{1}{2} \|\vec{w}\|^2 + \sum_{i=1}^n \alpha_i g(w)_i$$

# Implantation

## Résolution du problème d'optimisation

- On cherche à déterminer le minimum de cette fonction suivant  $w$  et  $b$ . On dérive donc par rapport à ces deux variables. D'où :

$$\frac{\partial L(w, b, \alpha)}{\partial w} = \vec{w} - \sum_{i=1}^n \alpha_i y_i \vec{X}_i = 0$$

$$\frac{\partial L(w, b, \alpha)}{\partial b} = \sum_{i=1}^n \alpha_i y_i = 0$$

- en remplaçant  $w$  dans  $L(w, b, \alpha)$ , on obtient

$$L(w, b, \alpha) = \sum_{i=1}^n \alpha_i - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n \alpha_i \alpha_j y_i y_j \vec{X}_i \cdot \vec{X}_j$$

# Implantation

## Résolution du problème d'optimisation

- Par égalité des solutions du problème primal et dual, résoudre notre problème revient à résoudre :

$$\max_{\alpha} L(w, b, \alpha) \text{ tq } \forall i \in \llbracket 1, n \rrbracket, \alpha_i \geq 0 \text{ et } \sum_{i=1}^n \alpha_i y_i = 0$$

- C'est ce problème que l'on va résoudre algorithmiquement.

# Implantation

## Résolution du problème d'optimisation

- Pour résoudre ce problème, on peut utiliser la méthode de la descente du gradient afin de déterminer les valeurs des  $\alpha_i$ . On pourra ensuite déterminer l'expression de  $\vec{w}$  puis en prenant l'un des vecteurs supports, remonter à l'expression de  $b$ . On a donc réussi à déterminer l'équation de la meilleure droite séparatrice..

# Implantation

## Résultats

Pour l'ensemble de données

$E = \{(5, 3, -1), (-2, 8, -1), (4, 6, -1), (-1, -1, -1), (7, 1, 1), (4, -5, 1), (6, -1, 1), (7, -3, 1)\}$ , on obtient :

- **Vecteurs supports** :  $(5, 3, -1), (7, 1, 1)$
- **Biais** :  $b = -2.13$
- **Droite séparatrice** :  $y = 0.783x + 2.70$

# Expériences

## Explications générales

- Pour chaque expérience, les données d'entrée sont des images.
- Afin d'exploiter ces données, il faut associer un point à chaque image c'est à dire deux nombres correspondant à des critères que l'on jugera pertinents.

# Première expérience

## Objectifs

- Construire un SVM capable de séparer linéairement les mammographies suivant la présence ou non de tumeurs.
- Détecter la présence de tumeurs avec une plus grande efficacité qu'avec une analyse des mammographies à l'oeil nu.
- Évaluer l'efficacité de la prise en compte de l'incertitude dans le diagnostic par rapport à un jugement binaire.

# Première expérience

## Protocole

- Données d'entraînement composées de 30 mammographies, 15 saines et 15 avec la présence d'une tumeur.
- Étiquetage suivant la présence potentielle d'une tumeur et la taille de cette tumeur.
- 2 groupes de données à étudier, un qui passera par le SVM, l'autre à l'oeil nu.

# Première expérience

## Mise en œuvre

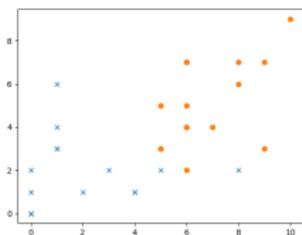


Figure – ensemble des données correspondant aux mammographies

- On remarque que les données ne sont pas linéairement séparables à cause d'un unique point.

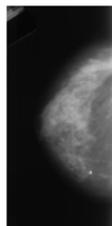


Figure – La mammographie correspondant au point "parasite"

# Première expérience

## Mise en œuvre

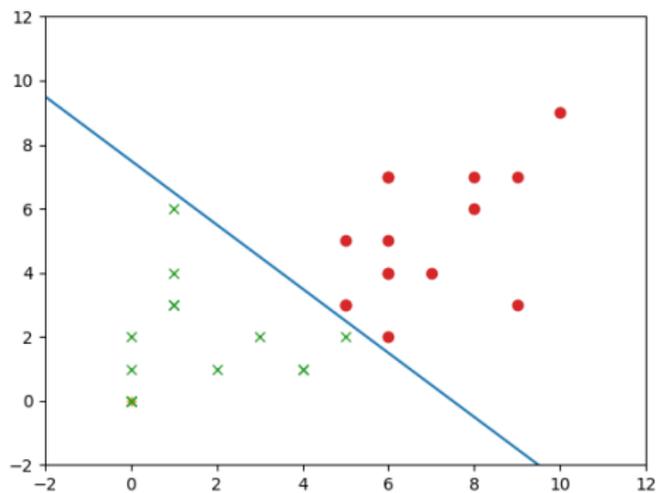


Figure – Données linéairement séparées

# Première expérience

Résultats numériques.

	Résultats	Corrects	Faux positifs	Faux négatifs	Total
Méthode	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
SVM	N/A	64	8	8	80
Œil nu	N/A	52	12	16	80

Figure – Résultats statistiques de la première expérience

## Deuxième expérience

### Objectifs

- Construire un SVM capable de séparer linéairement les mammographies suivant le caractère malin ou non des tumeurs.

## Deuxième expérience

### Protocole

- Données d'entraînement composées de 30 mammographies contenant des tumeurs, 15 bénignes et 15 malignes.
- Étiquetage suivant l'aire d'une tumeur sur une mammographie et sa régularité.
- La régularité d'une tumeur est obtenue en comparant son aire à celle de son cercle circonscrit.
- Les données sont obtenues à l'aide des masques binaires des tumeurs et d'un algorithme qui calcule en pixel-carré les aires exploitées.
- Étude avec un groupe de données inconnues.

## Deuxième expérience

### Protocole

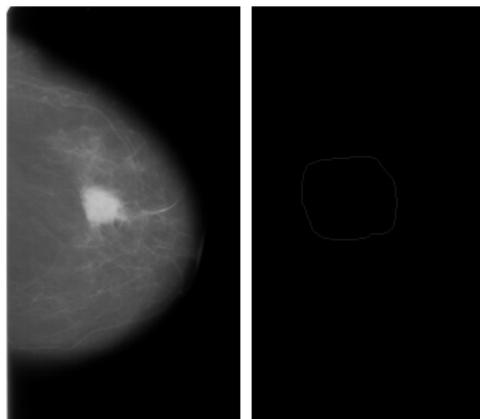


Figure – Exemple de masque binaire correspondant à une mammographie

## Deuxième expérience

### Mise en œuvre

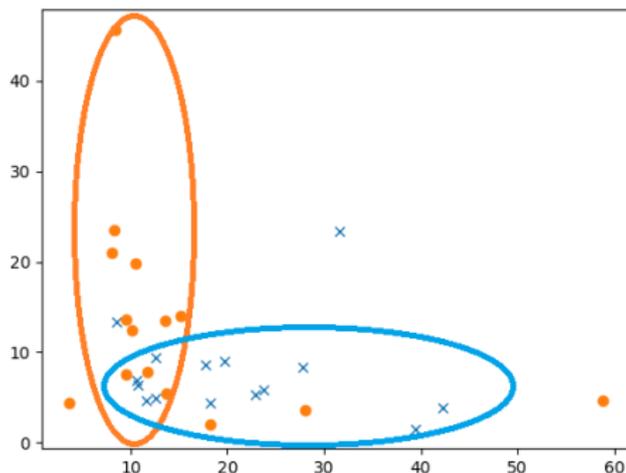


Figure – Répartition des points correspondants aux masques analysés

## Deuxième expérience

### Résultats

- Bien qu'une tendance soit observée dans la répartition des données, celles-ci ne sont pas linéairement séparables et donc non exploitables par le SVM
- On pourrait intégrer une marge souple pour classifier les cas en acceptant des points mal-classés mais cela serait risqué dans le cadre du diagnostic.

# Exploitation des résultats

## Première expérience

Le SVM a pu être créé avec succès. Les résultats sont meilleurs que ceux obtenus à l'œil nu mais insuffisants par rapport aux méthodes de diagnostic réelles. La prise en compte de l'incertitude permet néanmoins une amélioration des résultats.

# Exploitation des résultats

## Deuxième expérience

- La modélisation n'est pas complètement inadaptée mais sans doute trop simpliste pour être exploitable avec les outils développés dans ce cadre. Il faut revoir soit la méthode dans son ensemble soit prendre en compte d'autres facteurs.

## Pistes d'amélioration

### Prise en compte d'autres facteurs

- On pourrait comparer l'intensité en nuances de gris de zones particulièrement claires par rapport au milieu environnant. En effet, les tumeurs ont tendance à apparaître comme plus blanches que le reste du sein sur les mammographies.

## Pistes d'amélioration

Revoir la méthode de classification

- Dans les cas où les SVM sont réellement utilisés dans le diagnostic, on travaille dans un espace de dimension le nombre de pixel de l'image afin de différencier des différences de texture et d'organisation entre tumeurs bénignes et malignes plus précisément.

# Codes

## Introduction

- Dans cette partie sont présents tous les codes qui ont servi à un moment ou à un autre dans ce travail. Certains sont obsolètes dans la version finale du problème et sont indiqués comme tels.

# Codes

## Codes utilitaires

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
from PIL import Image
import math

def appartient(truc, liste):
    for i in range(len(liste)):
        if liste[i] == truc :
            return True
    return False

def enleve_doublon(l):
    n = len(l)
    rep = []
    for i in range(0, n) :
        if not(appartient(l[i], l[(i+1)::])) :
            rep.append(l[i])
    return rep

def segment(m1,m2):
    return [(m1[0],m1[1]),(m2[0],m2[1])]
```

# Codes

## Codes utilitaires

```
def intersection(s1, s2):  
    X1=s1 [0][0]  
    X2=s1 [1][0]  
    Y1=s1 [0][1]  
    Y2=s1 [1][1]  
    X3=s2 [0][0]  
    X4=s2 [1][0]  
    Y3=s2 [0][1]  
    Y4=s2 [1][1]  
    Ia=[max(min(X1, X2), min(X3, X4)), min(max(X1, X2), max(X3, X4))]  
    if (max(X1, X2) < min(X3, X4)):  
        return False  
    A1= (Y1-Y2)/(X1-X2)  
    A2= (Y3-Y4)/(X3-X4)  
    b1=Y1-A1*X1  
    b2=Y3-A2*X3  
    if (A1==A2):  
        return False  
    Xa=(b2-b1)/(A1-A2)  
    return not(Xa<Ia[0] or Xa>Ia[1])
```

# Codes

## Codes utilitaires

```
def resolution_systeme(a,b):  
    return np.linalg.solve(a,b)  
  
def distance(m1,m2):  
    return ((m1[0]-m2[0])**2+(m1[1]-m2[1])**2)**0.5  
  
def minimum(l):  
    min=l[0]  
    for x in l:  
        if x <= min:  
            min=x  
    return min  
  
def ante_minimum(l): #Fonction obsolète  
    mini=minimum(l)  
    k=0  
    while l[k] != mini:  
        k+=1  
    l.pop(k)  
    return minimum(l)
```

# Codes

## Codes utilitaires

```
def produit_scalaire(x,y):  
    n=len(x)  
    return sum(x[k]*y[k] for k in range(n))  
  
def vecteur_augmente(x): #Fonction obsolete  
    n=len(x)  
    l=[x[k] for k in range(n-1)]+[1]+[x[n-1]]  
    return tuple(l)  
  
def multiplication_vecteur(a,x):  
    l=[a*u for u in x]  
    return tuple(l)  
  
def somme_vecteurs(l):  
    n=len(l[0])  
    x=[0 for i in range(n)]  
    for u in l:  
        for k in range(n):  
            x[k] += u[k]  
    return tuple(x)
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def separation_donnees(l):  
    n=len(l[0])  
    l1=[]  
    l2=[]  
    for x in l:  
        if x[2]==-1:  
            l1.append(x)  
        else:  
            l2.append(x)  
    return l1,l2  
  
def trace_de_point_initial(l):  
    l1,l2=separation_donnees(l)  
    X1=[x[0] for x in l1]  
    Y1=[x[1] for x in l1]  
    X2=[x[0] for x in l2]  
    Y2=[x[1] for x in l2]  
    plt.plot(X1,Y1,"x")  
    plt.plot(X2,Y2,"o")  
    plt.show()
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def est_sparable_2D(l):  
    l1,l2=separation_donnees(l)  
    n=len(l1)  
    S1=[segment(l1[i],l1[j]) for i in range(n) for j in range(i)]  
    S2=[segment(l2[i],l2[j]) for i in range(n) for j in range(i)]  
    for i in range(n):  
        for j in range(n):  
            if intersection(S1[i],S2[j]):  
                return False  
    return True
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def vecteurs_supports(l): #Fonction obsolete
    l1,l2=separation_donnees(l)
    vectsup = [[] , []]
    vect=[]
    for m1 in l1:
        for m2 in l2:
            vect.append((distance(m1,m2),m1,m2))
    l=[vect[i][0] for i in range(len(vect))]
    mini = minimum(l)
    ante_mini=ante_minimum(l)
    for x in vect:
        if x[0]==mini :
            vectsup [0].append(x [1])
            vectsup [0].append(x [2])
        elif x[0]==ante_mini:
            vectsup [1].append(x [1])
            vectsup [1].append(x [2])
    return vectsup

def bias_imput(l): #Fonction obsolete
    n=len(l [0])
    a=[[x[k] for k in range(n-1)]+[1] for x in l]
    c=[x[n-1] for x in l]
    s=resolution_systeme(a,c)
    return s [n-1]
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def droite_s paratrice(l): #Fonction obsol te
    vectsup=vecteurs_ supports(l)
    n=len(l1 [0])
    if len(vectsup[0])<=2:
        vectsup1=enleve_ doublon(vectsup [0]+[vectsup [1][0]])
        vectsup2=enleve_ doublon(vectsup [0]+[vectsup [1][1]])
        n=len(vectsup1)
        m=len(vectsup2)
        if n<=2 or m<=2:
            if n>m:
                #b1=bias_ imput(enleve_ doublon(vectsup1))
                a1=[[ produit_ scalaire(vecteur_ augmente(vectsup1 [i] ), vecteur_ augm
                c1=[x[n-1] for x in vectsup1]
                s1=resolution_ systeme(a1, c1)
                w1=somme_ vecteurs ([ multiplication_ vecteur (s1 [k] , vecteur_ augm
                W1=produit_ scalaire (w1 [:3] , w1 [:3])
                return w1 [:3]
            else:
                b2=bias_ imput(enleve_ doublon(vectsup2))
                a2=[[ produit_ scalaire(vecteur_ augmente(vectsup2 [i] ), vecteur_ aug
                c2=[x[m-1] for x in vectsup2]
                s2=resolution_ systeme(a2, c2)
                w2=somme_ vecteurs ([ multiplication_ vecteur (s2 [k] , vecteur_ augm
                W2=produit_ scalaire (w2 [:3] , w2 [:3])
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
        return w2[:3]
#b1=bias_imput(enleve_doublon(vectsup1))
#b2=bias_imput(enleve_doublon(vectsup2))
a1=[[produit_scalaire(vecteur_augmente(vectsup1[i]),vecteur_augmente(
a2=[[produit_scalaire(vecteur_augmente(vectsup2[i]),vecteur_augmente(
c1=[x[n-1] for x in vectsup1]
c2=[x[n-1] for x in vectsup2]
s1=resolution_systeme(a1,c1)
s2=resolution_systeme(a2,c2)
w1=somme_vecteurs([multiplication_vecteur(s1[k],vecteur_augmente(vect
w2=somme_vecteurs([multiplication_vecteur(s1[k],vecteur_augmente(vect
W1=produit_scalaire(w1[:3],w1[:3])
W2=produit_scalaire(w1[:3],w1[:3])

if max(1/W1,1/W2)==1/W1:
    return w1[:3]
else:
    return w2[:3]
else:
    vectsup0=enleve_doublon(vectsup[0])
#b=bias_imput(vectsup0)
a=[[produit_scalaire(vecteur_augmente(vectsup0[i]),vecteur_augmente(
c=[x[n-1] for x in vectsup0]
s=resolution_systeme(a,c)
n=len(s)
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
w=somme_vecteurs([multiplication_vecteur(s[k],vecteur_augmente(vecteur)) for k in range(1,3)])
return w[:3]

def trac_droite(w,b):
    X=np.linspace(-40,40, 1000)
    if abs(w[1])<=10**-10:
        plt.plot([-b]*1000,X)
    else:
        Y=[-(w[0]/w[1])*x - b/w[1] for x in X]
        plt.plot(X,Y)

def svm_2d(l): #Fonction obsolète
    l1,l2 = separation_donnees(l)
    if not est_s_parable_2D:
        return "les_donnees_sont_pas_s_parables_lin_airement"
    w_tilde = droite_s_paratrice(l)
    n=len(w_tilde)
    b=w_tilde[n-1]
    w=w_tilde[:n-1]
    return w,b
    trac_droite(w,b)
    trace_de_point_initial(l)
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def probleme_optimisation(l): #Fonction obsolete
    n=len(l)
    a=[]
    vectsup=vecteurs_supports(l)
    for j in range(n):
        L=[l[i][2]*l[j][2]*produit_scalaire(l[i][:2],l[j][:2]) for i in range(n)]
        a.append(L)
    a.append([l[i][2] for i in range(n)]+[0])
    p=[1]*(n+1)
    alpha=resolution_systeme(a,p)
    w=somme_vecteurs([multiplication_vecteur(l[k][2],multiplication_vecteur(l[k][2],vectsup[0][0][:2])) for k in range(n)])
    b=vectsup[0][0][2]-produit_scalaire(w,vectsup[0][0][:2])
    return w,b

def SVM_v2(l): #Fonction obsolete
    w,b=probleme_optimisation(l)
    trac_droite(w,b)
    trace_de_point_initial(l)
```

# Codes

## Codes pour l'implantation des SVM

```
def SVM_vf(l):  
    w,b =descente_de_gradient(l, max_iter = 100000, lr = 0.00001, c1=100,  
epsilon= 1E-7)  
    trac _droite(w,b)  
    trace_de_point_initial(l)
```

# Codes

## Codes pour l'analyse d'image

```
image = Image.open(r"C:\Users\smnle\Desktop\Mask\Mask15C.jpg")
n, m = image.size
image = image.load()

tab = []
for i in range(n):
    for j in range(m):
        if image[i, j] == 1:
            tab.append([i, j])

max = 0
for i in range(len(tab)):
    for j in range(i):
        d = (tab[i][0] - tab[j][0]) ** 2 + (tab[i][1] - tab[j][1]) ** 2
        if d > max:
            max = d

aire_circonscrit = math.pi * max / 4 # en pi
```

# Codes

## Codes pour l'analyse d'image

```
image = Image.open(r"C:\Users\smnle\Desktop\Mask\Mask15C.jpg")
n, m = image.size
image = image.load()

# cette partie l sert paissir le trait pour combler les trous
im = []
for i in range(n):
    im.append([0 for j in range(m)])
for i in range(n):
    for j in range(m):
        if image[i, j]:
            for il in range(i-2, i+3):
                for jl in range(j-2, j+3):
                    im[il][jl] = 1

aire = 0
for i in range(n):
    intersection = 0
    for j in range(1,m):
        intersection += (im[i][j-1] != im[i][j])
        if image[i, j]:
            aire += 1
        elif (intersection / 2) % 2:
            aire += 1
    aire -= 2 * (intersection // 2)
```

# Codes

## Descente du gradient

```
def descente_de_gradient(l, max_iter = 100000, lr = 0.00001, c1=100,
epsilon=1E-7):
    C=np.Inf
    x=[u[:2] for u in l]
    Matx=np.array(x)
    y=[u[2] for u in l]
    Maty=np.array(y)
    n = len(x[0])
    w = np.random.normal(n)
    b = np.random.normal()
    nb_echantillons = len(x)
    Mat_noy = np.zeros([nb_echantillons, nb_echantillons])
    for i in range(nb_echantillons):
        for j in range(nb_echantillons):
            Mat_noy[i,j] = np.dot( x[i], x[j] )

    Lambda = np.absolute(np.random.normal(len(x)))
    tour_boucle = 0

    while True:
        dLdLambda = -1 + np.matmul (Mat_noy, Lambda*Maty)*Maty + c1*np.dot(L
        Lambda -= lr * dLdLambda
```

# Codes

## Descente du gradient

```
Lambda = np.minimum(np.maximum(Lambda, 0), C )

tour_boucle+=1
if tour_boucle % 20000 ==0:

    p1 = -1*np.sum(Lambda) + 0.5*np.linalg.norm(np.matmul(Matx.T, Lambda))
    p2 = c1 * 0.5 * np.dot(Lambda, y) **2
    p = p1 + p2
    print("p1:_%f, p2:_%f, perte:_%f, Lambda_max:_%f"%( p1, p2, p, np.max(Lambda)))
    w = np.matmul( Matx.T, Lambda*Maty )

    W_support = np.argwhere( Lambda > epsilon )[:,0]
    b_support = np.argwhere( np.logical_and( Lambda > epsilon , Lambda < C - epsilon ))
    w = np.matmul( Matx[W_support].T, Lambda[W_support]*Maty[W_support] )
    b = np.mean( Maty[b_support] - np.matmul( Matx[b_support] ,w ))

if tour_boucle >= max_iter:
    break
W_support = np.argwhere( Lambda > epsilon )[:,0]
b_support = np.argwhere( np.logical_and( Lambda > epsilon , Lambda < C - epsilon ))
w = np.matmul( Matx[W_support].T, Lambda[W_support]*Maty[W_support] )
b = np.mean( Maty[b_support] - np.matmul( Matx[b_support] ,w ))
return w, b
```